# Article information:

ArrayExpress < BioStudies < EMBL-EBI
<https://www.ebi.ac.uk/arrayexpress/>

# Article summary:

1. ArrayExpress是一个功能基因组学数据集合，存储了高通量功能基因组实验的数据，并提供给研究社区进行重复使用。它包含了详细的样本注释、协议、处理数据和原始数据等元数据。

2. ArrayExpress通过其专用的提交工具Annotare接收数据的提交，并将高通量测序研究的原始序列读取链接到欧洲核苷酸数据库（ENA）。

3. 可以通过ArrayExpress的帮助部分了解如何搜索ArrayExpress，也可以使用Annotare作为网页提交工具，或者直接从FTP站点下载数据。此外，还可以在Expression Atlas中发现在多种实验条件下上下调节的基因，并使用Experimental Factor Ontology来支持对ArrayExpress数据的查询和注释。

# Article rating:

Appears moderately imbalanced: The article provides some useful information, but is missing several important points or pieces of evidence that would be required to present the discussed topics in a balanced and reliable way. You are encouraged to seek a more balanced perspective on the presented issues by exploring the provided research topics and looking at different information sources.

# Article analysis:

根据给定的文章内容，很难进行详细的批判性分析，因为文章只是简要介绍了ArrayExpress这个功能基因组学数据收集平台，并提供了一些相关链接和工具。文章并没有提出任何主张或观点，也没有涉及到任何争议性话题。

然而，可以注意到一些可能存在的偏见或不足之处。首先，在介绍中提到ArrayExpress遵循社区准则，并包含元数据和原始数据等信息，但并未明确说明是否有对数据质量、可重复性和可靠性进行审核或验证的过程。这可能导致潜在的偏见或不准确性。

其次，在提供的相关链接中，只有一个与ArrayExpress直接相关，其他链接则与功能基因组学领域的其他方面有关。这可能导致读者无法获得更全面和详细的信息。

此外，文章未提及任何可能存在的风险或限制条件。例如，在使用高通量测序技术时可能存在的样本污染、实验设计偏差、数据处理方法选择等问题都没有被讨论到。

总体而言，虽然该文章提供了一些关于ArrayExpress平台的基本信息和相关资源链接，但缺乏深入探讨和全面呈现。对于读者来说，需要进一步查阅其他来源以获取更全面和客观的信息。

# Topics for further research:

* ArrayExpress数据质量和可重复性审核
* ArrayExpress平台的限制条件和风险
* 高通量测序技术中的样本污染问题
* 高通量测序实验设计偏差的影响
* 数据处理方法选择对结果的影响
* 获取更全面和客观信息的其他资源

# Report location:

<https://www.fullpicture.app/item/fbe0cf6cfd1c09e5b7d8763e351a072d>