# Article information:

Genetically predicted high IGF-1 levels showed protective effects on COVID-19 susceptibility and hospitalization: a Mendelian randomisation study with data from 60 studies across 25 countries - PMC  
<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC9576268/>

# Article summary:

1. 通过基因预测的高IGF-1水平与COVID-19易感性和住院风险呈负相关。研究使用两样本Mendelian randomization (TSMR)方法，发现基因预测的高IGF-1水平与COVID-19易感性和住院风险有显著关联。

2. 性激素（睾酮、雌激素和SHBG）与COVID-19风险无明显关联。研究结果显示，性激素（睾酮、雌激素和SHBG）与COVID-19的易感性、住院风险和严重程度无明显关联。

3. 需要进一步研究验证结果并探索IGF-1是否可以作为减少COVID-19风险的潜在干预靶点。虽然研究结果表明基因预测的高IGF-1水平与减少COVID-19易感性和住院风险有关，但这些关联未经过多重检验的Bonferroni校正。需要进一步研究来验证这些发现，并探索IGF-1是否可以作为减少COVID-19风险的潜在干预靶点。

# Article rating:

Appears moderately imbalanced: The article provides some useful information, but is missing several important points or pieces of evidence that would be required to present the discussed topics in a balanced and reliable way. You are encouraged to seek a more balanced perspective on the presented issues by exploring the provided research topics and looking at different information sources.

# Article analysis:

这篇文章是一项基于遗传学的研究，旨在探讨性激素和胰岛素样生长因子-1（IGF-1）与COVID-19风险之间的关联。然而，文章存在一些潜在的偏见和问题。

首先，文章没有提及可能存在的冲突利益。作者没有透露是否有与制药公司或其他相关机构有关的利益冲突，这可能会对研究结果产生影响。

其次，文章只使用了基于总体数据的遗传预测来推断性激素和IGF-1与COVID-19风险之间的关系。然而，这种方法存在一些局限性。例如，遗传预测可能受到样本大小、人种差异和基因环境相互作用等因素的影响。此外，该方法无法确定因果关系，并且不能排除混杂因素对结果的影响。

此外，在讨论中提到了IGF-1与COVID-19风险之间的关联，并指出高IGF-1水平与减少COVID-19易感性和住院风险有关。然而，在结果部分中指出这些关联仅在统计上具有意义，并未通过多重检验进行校正。这意味着这些结果可能是偶然发现，需要进一步的研究来验证。

此外，文章没有探讨其他可能影响COVID-19风险的因素。例如，年龄、性别、基础健康状况和生活方式等因素可能对COVID-19感染和严重程度产生影响。忽略这些因素可能导致对结果的误解。

最后，文章没有提供关于IGF-1作为潜在干预目标以减少COVID-19风险的证据。虽然作者提到了进一步研究的必要性，但并未提供任何具体建议或方向。

总之，这篇文章存在一些潜在的偏见和问题。它只使用了基于总体数据的遗传预测，并未考虑其他可能影响COVID-19风险的因素。此外，文章没有提供足够的证据支持IGF-1作为减少COVID-19风险的干预目标。因此，需要更多研究来验证这些结果并全面评估其临床意义。

# Topics for further research:

* 冲突利益
* 遗传预测的局限性
* IGF-1与COVID-19风险的关联是否具有统计学意义
* 其他可能影响COVID-19风险的因素
* IGF-1作为减少COVID-19风险的干预目标的证据
* 进一步研究的必要性

# Report location:

<https://www.fullpicture.app/item/b1b12e840e6930285316a0cff8e9e22d>