# Article information:

如何获取kegg通路的基因列表  
<https://mp.weixin.qq.com/s/lxQuUp35QvpFQ_6NtpyiKA>

# Article summary:

1. 如何通过KEGGREST和EnrichmentBrowser获取kegg通路的基因列表。

2. 获取基因列表的目的是在寻找差异基因或进行单细胞分析时使用。

3. 通过将gmt格式转换为数据框格式，可以方便地进行其他分析。

# Article rating:

May be slightly imbalanced: The article presents the information in a generally reliable way, but there are minor points of consideration that could be explored further or claims that are not fully backed by appropriate evidence. Some perspectives may also be omitted, and you are encouraged to use the research topics section to explore the topic further.

# Article analysis:

这篇文章介绍了如何获取kegg通路的基因列表，并提供了一些代码示例。然而，文章存在一些问题和偏见。

首先，文章没有提供关于为什么需要获取kegg通路基因列表的充分解释。它只给出了两个例子，即寻找差异基因和单细胞分析中的基因集评分。然而，这并不足以说明为什么人们需要获得整个kegg通路的基因列表。作者应该更详细地解释这个问题，并提供更多的使用场景和实际应用。

其次，文章没有提供对所使用方法的详细解释。它只给出了一些代码示例，但没有解释这些代码是如何工作的、它们背后的原理以及如何正确使用它们。这使得读者很难理解和复现作者所描述的方法。

此外，文章没有提到其他获取kegg通路基因列表的方法。虽然它提到了通过数据库如kegg来获取基因集，但并未探讨其他可能的途径或工具。这种片面性可能导致读者对其他可行方法的忽视。

另一个问题是文章缺乏证据支持其主张。尽管作者声称所介绍的方法非常简单且易于实施，但他们并未提供任何数据或实验证据来支持这一说法。这使得读者难以相信所提供的方法的有效性和可靠性。

最后，文章没有平等地呈现双方观点。它只提供了作者自己的观点和主张，而没有探讨可能存在的其他观点或争议。这种偏袒可能导致读者对问题的全面理解和客观评估的缺失。

综上所述，这篇文章在介绍如何获取kegg通路基因列表方面存在一些问题和偏见。它缺乏充分解释、详细说明、证据支持和平等呈现双方观点，需要进一步改进和完善。

# Topics for further research:

* 为什么需要获取kegg通路基因列表？
* kegg通路基因列表的其他获取方法有哪些？
* 代码示例背后的原理是什么？
* 这些方法的有效性和可靠性有何证据支持？
* 是否存在其他观点或争议？
* 如何平等地呈现双方观点？

# Report location:

<https://www.fullpicture.app/item/9892c54570b0ecfa027afc61f1f21e34>