# Article information:

基因ID转换方法总结 - 简书
<https://www.jianshu.com/p/6b0b5c55058f>

# Article summary:

1. clusterProfiler包中的bitr()函数可以用于基因ID的转换，可以将一个基因名的类型转换成多种类型。

2. 使用org.Hs.eg.db包可以查看可选择/使用的基因名类型。

3. 对于带有版本号的基因ID，需要按点号分隔开并保留点号前面的部分才能被bitr()识别。

# Article rating:

May be slightly imbalanced: The article presents the information in a generally reliable way, but there are minor points of consideration that could be explored further or claims that are not fully backed by appropriate evidence. Some perspectives may also be omitted, and you are encouraged to use the research topics section to explore the topic further.

# Article analysis:

根据文章内容，该篇文章主要介绍了基因ID转换的方法总结。其中提到了使用clusterProfiler包中的bitr()函数进行基因ID转换的方法，并给出了具体的示例代码。另外，还介绍了将探针ID转化为基因symbol的方法。

然而，由于文章内容较为简洁，没有提供详细的解释和分析，也没有提供相关数据和实验结果来支持所述方法的有效性和可靠性。此外，文章中并未涉及任何潜在偏见、片面报道、无根据的主张、缺失的考虑点、所提出主张的缺失证据、未探索的反驳等方面。

因此，在对该篇文章进行批判性分析时，很难提供更多关于其潜在偏见及来源、宣传内容、是否注意到可能风险以及是否平等地呈现双方等方面的见解。

# Topics for further research:

* 基因ID转换方法的有效性和可靠性
* 相关数据和实验结果的支持
* 潜在偏见和来源
* 宣传内容
* 是否注意到可能风险
* 是否平等地呈现双方

# Report location:

<https://www.fullpicture.app/item/74b348d34cca5ccc13c68058b4a49c37>